

BANGEMAC: El BARCODING de la Biodiversidad Marina Centro-Atlántica

González-Henríquez¹ N., Quinteiro² J., Rey-Méndez² M., Manent¹ P., Medina¹ C., Araújo³ R., Alves⁴ A., Góis⁴ A.R., Gonçalves⁵ J., Carreira⁶ G., Fortes⁷ I., Freitas⁷ R., Lopes⁷ E., Almeida⁷ C.

¹Universidad de Las Palmas de Gran Canaria

²Universidade de Santiago de Compostela

³Museo Historia Natural de Funchal-Madeira⁴DSIP-SRA Madeira

⁵Universidade dos Açores

⁶Secretaria Regional do Mar, Ciência e Tecnologia dos Açores

⁷Universidade de Cabo Verde

INTRODUCCIÓN

El BARCODING – ADN o código de barras de la vida, es una metodología en la que un pequeño fragmento de la molécula de ADN se utiliza como un patrón único para identificación de las especies. El fragmento utilizado es el citocromo c oxidasa subunidad 1 (COx1), un gen conservado de la molécula de ADN con 648 pb.

Este gen constituye el marcador estándar para las iniciativas FISH-BOL, MARINE-BOL, con el objetivo de proporcionar un identificador molecular para un gran número de especies y en un amplio rango taxonómico.

En este sentido, los proyectos BANGEN, BIOTECMAR y BIOVAL (Programa PCT-MAC, fondos FEDER) han iniciado un banco de tejidos, ADN y el BARCODING BANGEMAC de secuencias del gen COx1 del ADN mitocondrial de los organismos marinos de los archipiélagos macaronésicos (Azores, Madeira, Canarias y Cabo Verde).

MATERIALES Y MÉTODOS

Las muestras que han servido como base de este banco de ADN han sido proporcionadas desde diferentes fuentes: Otros Proyectos (BANCOMAC, PESPROF), cofradías de pescadores y campañas específicas de muestreo.

Los protocolos y métodos empleados para la extracción, amplificación y secuenciación son los establecidos en la Guía de procedimientos y protocolos genéticos (<http://bangen-pct.org/prensa/>).

RESULTADOS

El banco genético BANGEMAC cuenta con:

2.765 muestras de tejidos, 949 muestras de ADN y 808 secuencias COx1 de especies marinas de Macaronesia (Fig. 1).

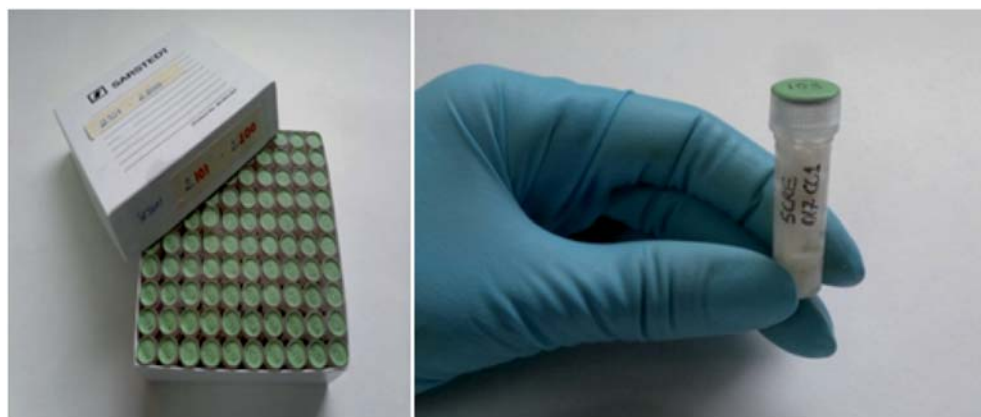


Figura 1.- Conservación muestras y ADN en el banco genético

Estos resultados constituyen el germen del banco genético BARCODING-BANGEMAC de la Biodiversidad Marina de los archipiélagos de Azores, Madeira, Canarias y Cabo Verde. Los datos se encuentran incluidos en la base de datos BANGEMAC y en el aplicativo Kypros de SIG de Biodiversidad Marina (Fig. 2).

[illegible]

Figura 2.- Base de datos y aplicativo on line de Biodiversidad marina.

AGRADECIMIENTOS

Este trabajo forma parte de los proyectos del Programa europeo PCT-MAC cofinanciados con fondos FEDER (BANGEN, BIOTECMAR, BIOVAL).

Grapevine infestation