

Diversidad genética de poblaciones mediterráneas de *Gracilaria gracilis* (Gracilariales, Rhodophyta)

Polifrone M. (1), González-Pérez M. A. (1),
Sosa P. A. (1) Gargiulo G M. (2)

(1) Departamento de Biología, Universidad de Las Palmas de Gran Canaria, Campus Universitario de Tafira, 35017 Las Palmas, Islas Canarias, España
(2) Departamento de Biología, Universidad de Las Palmas de Gran Canaria, Campus Universitario de Tafira, 35017 Las Palmas, Islas Canarias, España.

Los niveles de diversidad genética han sido determinados, mediante isoenzimas, en tres poblaciones naturales de *G. gracilis* distribuidas en el sur de Italia. En general, de los 9 loci estudiados, las poblaciones presentaron elevados niveles de variación isoenzimática si comparados con los niveles observados en otras Rhodophyta. La riqueza alélica (A) varió entre 1,1 y 1,7; mientras que el rango de polimorfismo (P) varió entre el 10 y el 40%, y la heterocigosidad esperada (H_e) estaba comprendida entre 0,029 y 0,157, siendo esta más alta que las detectadas en otras especies del mismo género. La mayor proporción de la variabilidad genética detectada en *G. gracilis* fue debida al componente interpoblacional (74,2%), con respecto al componente intra poblacional (25,8%). Los resultados obtenidos revelaron un bajo flujo genético entre las poblaciones estudiadas, especialmente entre las de Sicilia y la del Mar Piccolo. La identidad genética y el análisis de PCA indicaron que esta última población de *G. gracilis* es diferente genéticamente de las otras dos. Posiblemente su localización geográfica y su lejanía de las poblaciones sicilianas limitan la posibilidad de cruzamiento entre los individuos, y la mantienen diferenciada. Además, se ha detectado subestructuración genética en dos de las poblaciones (Mar Piccolo y Licata), con la presencia de un déficit de individuos heterocigóticos y por tanto con la existencia de desviaciones del equilibrio Hardy-Weinberg.